



Servicio de análisis de los niveles de expresión génica en diferentes condiciones experimentales. Además, se realiza un análisis de enriquecimiento para facilitar la interpretación de los resultados.

El **transcriptoma** es el conjunto de **moléculas de ARN** presentes en un **ambiente** celular en un momento determinado. La mayoría de este ARN proviene de la transcripción de los genes activos bajo unas condiciones ambientales concretas. La **secuenciación** del transcriptoma permite detectar esos **genes activos**, su **nivel de expresión** y comprobar si ciertas vías metabólicas están más o menos **enriquecidas** bajo condiciones específicas.



Consultoría y Diseño del Estudio

Asesoramiento científico-técnico personalizado por parte de nuestros expertos en transcriptómica para:



Diseño experimental



Recogida de muestras



Seguimiento del proyecto



Reunión de entrega de resultados

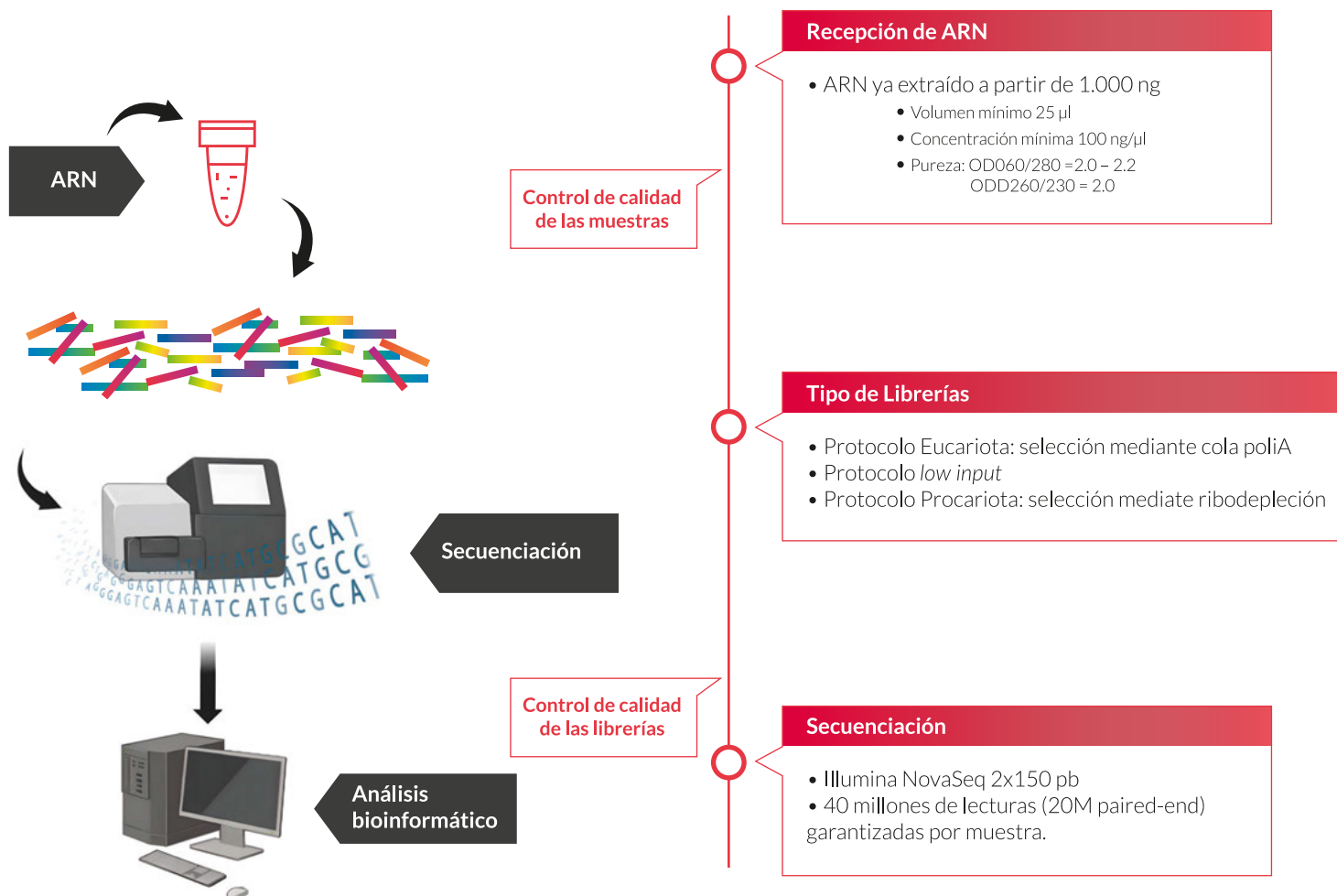


Redacción o revisión de publicaciones



Laboratorio de Biología Molecular

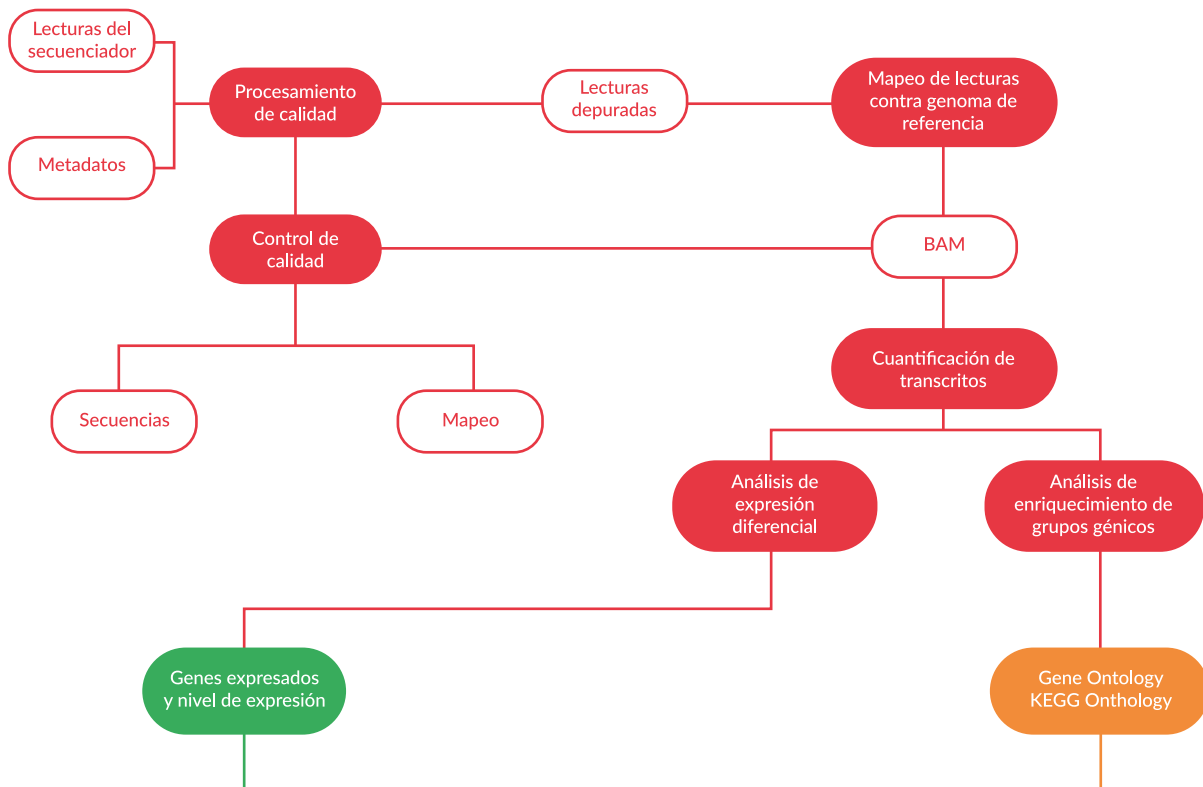
Un equipo altamente cualificado con amplia experiencia en metagenómica llevará a cabo:





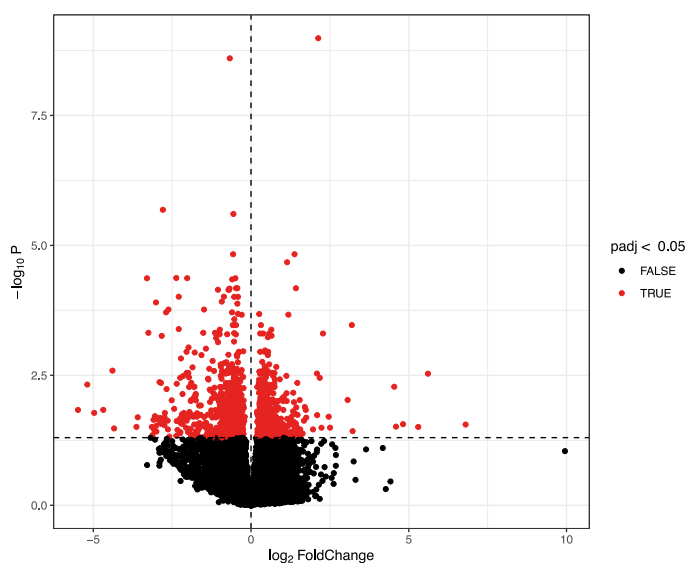
Análisis Bioinformático y Estadístico

Nuestro departamento de bioinformática cuenta con **pipelines diseñadas para personalizar cada análisis** según las necesidades del estudio, abordando:



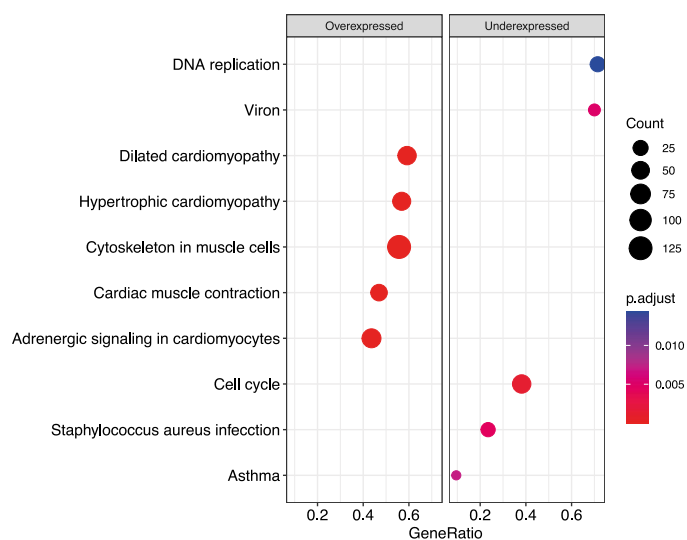
Análisis de expresión diferencial

Identificación de los genes diferencialmente expresados entre los dos grupos de estudio. El ID de los genes será acorde a la anotación disponible del genoma.



Análisis de enriquecimiento

Estudio de enriquecimiento para detectar las vías metabólicas que están sobreexpresadas o subexpresadas en los dos grupos de estudio.



Suplementos



Análisis bioinformáticos personalizados: servicio de consultoría de análisis bioinformáticos. Incluidas 2h de análisis post-entrega en cualquier estudio completo.